**عنوان:**

**تیپ بندی جدایه‌های بروسلای جداشده از ایران به روش تجزیه وتحلیل تعداد توالی‌های متغیر تکراری پشت سرهم چند لوکوس**

گونه‌های باکتری بروسلا عامل بروسلوزیس و مسئول عفونت‌های مزمن تاحاد درانسان و حیوان است. جدایه‌ها ها نیازمندشناسایی تاسطح گونه برای مطالعات اپیدمیولوزی، تحقیقات برروی شیوع و پیشگیری موثروکنترلبروسلوزیس است.گزارشات متعددی ازاین بیماری درسراسر ایران وجودداردوباتوجه به اینکه ایران جزمناطق اندمیک این بیماری محسوب می‌شود. هدف ازین مطالعه تجزیه وتحلیل تعدادتوالی‌های متغییرتکراری پشت سرهم چندلوکوس برای تعیین تیپ جدایه‌ها بروسلای جداشده از سراسر ایران است.

**موادوروش ها**: مطالعه100جدایه بروسلاکه ازسراسرایران جمع شده و بعداز از اینکه جدایه‌ها به وسیله‌ی روش‌های استاندارد کشت و تشخیص هویت بیوشیمیایی تایید مجدد شدند ودربانک میکروبی دانشگاه ایران نگهداری شد، بوسیله‌ی تکنیکMLVA(Multiple-Locus Variable number tandem repeat Analysis)مورد بررسی قرارگرفت.

**یافته‌ها:** 56 تایپ مختلف در سه کلاستر (A,B.C) بدست آمد، که 93% تشابه داشتند. کلاسترهای AوB تشابه بیشتری بهم داشتند. تایپ‌های 9و8،5 فراوان ترین تایپ‌هابودند.

**بحث:** طبق مطالعات صورت گرفته باکتری بروسلا به عنوان تهدید جدی برای سلامت جامعه می‌باشد. . علاوه براین، باتوجه به مکانیسم ناشناخته برای بیماری زایی و بیماری‌های موضعی وعمومی که در انسان و دام ایجاد میکند و هم موجب ضرر اقتصادی و هم از کار افتادن نیروی کار آمد جامعه می‌شود و کنترل این بیماری در انسان منوط بر کنترل بیماری در دام می‌باشد. از طرفی واکسن انسانی یا حتی دامی مناسب برای این بیماری وجود ندارد و درمانهای طولانی مدت آن کنترل و ریشه کنی این بیماری را با مشکل مواجه کرده است . همچنین ایران به عنوان منطقه‌ی اندمیک برای بیماری بروساوزبس می‌باشد و دارای مرز‌های طولانی زیادی با کشور‌های عراق و ترکیه و عربستان می‌باشد که این کشور‌ها با شیوع بالای بروسلوزیس مواجه هستند و صادرات و واردات بدون نظارت دام صورت می‌گیرد. از طرفی هم پروفایل ژنتیکی بروسلا ملی تنسیس جداشده از ایران با پروفایل ژنتیکی بروسلا ملی تنسیس جداشده از ترکیه تشابه دارد و چون هنوز مطالعه ای مبنی بر تعین پروفایل ژنتیکی در کشور‌های عربستان، کویت و عراق صورت نگرفته است لذا بهتر است سیاست‌های واردات و صادرات دام از این کشور‌ها مورد تجدید نظر قرار گیرد. روش MLVA به آسانی انجام می‌شود، نسبتاً سریع و ارزان است و می‌تواند به راحتی در هر آزمایشگاه مولکولی بدون نیاز به تجهیزات اضافی گران قیمت، گنجانده شود و برای یافتن تایپ باکتری بروسلا و تمایز آنها توصیه می‌شود.

، بروسلاMLVA **واژه‌های کلیدی**: تیپ بندی،